

## LUNDI 13 OCTOBRE

8 h 30 à 10 h, accueil des participants et café de bienvenue  
10 h à 11 h, ouverture du colloque  
11 h à 12 h 30, thématique 1  
12 h 30 à 14 h, déjeuner  
14 h à 16 h, thématique 1 (suite)

### Thématique 1

#### Autour de la vigne : génome et filières

(animateurs : A. Charrier et J.-L. Souciet)

- Le séquençage du génome de la vigne dans un projet public franco-italien. A.-F. Adam-Blondon [INRA, Evry] et E. Pé [Université de Milan]
- Caractérisation et utilisation de la diversité génétique de la vigne. P. This [INRA, Montpellier et Colmar]
- Analyse comparée des génomes de *Botrytis cinerea* et *Sclerotinia sclerotiorum*. M.-H. Lebrun [Bayer CropScience, Lyon]
- Le mildiou de la vigne : diversité génétique, introductions et durabilité des résistances. F. Delmotte et P. Mestre [INRA, Bordeaux et Colmar]

## MARDI 14 OCTOBRE

9 h à 12 h 30 avec une pause café entre 10 h 30 et 11 h

### Thématique 2

#### Développements méthodologiques : vers une nouvelle approche du vivant

(animateurs : P. Bertin et F. Lefèvre)

#### Des isolats naturels aux communautés microbiennes.

- Métagénomique et diversité génétique et métabolique. D. Le Paslier [Génoscope, Evry]

- Diversité génomique chez les *Frankia* : implications dans la symbiose. P. Normand [Université Claude Bernard, Lyon]
- Analyse fonctionnelle de micro-organismes et de communautés complexes par des approches (méta) protéomiques. F. Arsène-Ploetze [Université Louis Pasteur, Strasbourg]
- Diversité génétique des polyketides synthèses de type I dans l'ADN métagénomique d'un sol. P. Simonet [École Centrale, Lyon]
- Double classification taxonomique et symbiotique des bactéries *Bradyrhizobium* par une analyse phylogénétique multilocus. P. De Lajudie [IRD, Montpellier]

#### Quoi de neuf chez les organismes eucaryotes ?

- Variabilité génétique chez le chien. C. Hitte [Université de Rennes 1]

- Diversité moléculaire et structure du génome chez les levures *S. cerevisiae* cenologiques. S. Dequin [INRA, Montpellier]
- Phylogénie et structure des populations chez *Xanthomonas* et *Pseudomonas*. M. Le Saux [INRA, Angers]
- Les développements technologiques dans l'analyse des génomes. P. Wincker [Génoscope, Evry]

#### Plage de temps offerte pour des présentations orales sélectionnées sur les résumés soumis à la Commission Scientifique, sur cette thématique.

Envoyez vos propositions avant le 31 août.

- Polymorphisme de gènes impliqués dans l'acquisition et la gestion de l'énergie chez l'huître creuse *Crassostrea gigas*. A. Huvet [IFREMER, Plouzané]
- Nouveaux outils moléculaires pour décrire la biodiversité. P. Taberlet [Université Joseph Fourier, Grenoble]
- Diversité/homogénéité chez le chien comme outil d'étude des causes génétiques de maladies complexes. C. André [Université de Rennes 1]
- Diversité et évolution d'une famille multigénique impliquée dans la biosynthèse de l'amidon chez les graminées. D. Manicacci [INRA, Gif-sur-Yvette]

- LUCA, évolution et outils. C. Brochier [Université Provence-Aix-Marseille 1]

12 h 30 à 14 h, déjeuner

### Affiches

De 16 h à 19 h, autour d'une dégustation de produits régionaux, session réservée aux affiches (résultats des recherches financées dans le cadre de l'appel à propositions 2005-2006, travaux s'inscrivant dans les quatre thématiques du colloque et sélectionnées par la Commission Scientifique). Attribution de prix aux meilleures affiches.

Envoyez vos propositions avant le 31 août.

14 h à 18 h 30 avec une pause café entre 16 h et 16 h 30

### Forum 1

#### Co-existence sauvage / domestique

Quelles interactions entre les diversités sauvage et domestique ? Une nouvelle perception de la biodiversité pourrait permettre à ceux qui la gèrent de mieux bénéficier de cette interdépendance et ainsi d'affronter les menaces et défis de demain.

### Forum 2

#### Politique des ressources génétiques

L'organisation du colloque à Strasbourg constitue une opportunité pour confronter les compréhensions et visions des ressources génétiques et des politiques à mener entre acteurs de terrain et élèves de l'ENA, parlementaires et fonctionnaires européens.

De 20 h jusqu'au coeur de la nuit, repas d'amis à la Maison Kammerzell 16, Place Cathédrale, 67000 Strasbourg

## MERCREDI 15 OCTOBRE

9 h à 12 h 30 avec une pause café entre 10 h 30 et 11 h

### Thématique 3

#### Nature de la diversité et processus de décision

(animateurs : J. Masson et E. Verrier)

#### La constitution et l'évaluation de la diversité génétique, l'originalité et la valeur d'une ressource

- La connaissance du processus de domestication nous éclaire-t-elle sur les choix de conservation ? P. Gepts [Université de Californie, Davis]

- Contribution des éléments transposables à la création de diversité et à l'adaptation du maïs : conséquences pour la conservation des ressources génétiques. M. Tenaillon [INRA, Gif-sur-Yvette]
- La mesure de la diversité génétique : quels outils, quelles méthodes, quel futur ? J. Ronfort [SupAgro, Montpellier] et X. Rognon [AgroParisTech, Paris]
- Modèles économiques de la valeur d'une ressource génétique. A. Fadlaoui et P. Baret [Université de Louvain-la-Neuve]

#### Les processus de décision de conservation et d'utilisation des ressources génétiques

- Recours aux ressources génétiques des formes sauvages et primaires pour restaurer la diversité génétique des blés durs cultivés. J. David [SupAgro, Montpellier]
- Multiplicité des facteurs conduisant à un choix de conservation. F. Boulineau [GEVES, Brion]

- La place des projets territoriaux dans les prises de décision sur le devenir des races locales. A. Lambert Derkimba [INRA, Corte].
- Perceptions sociales et choix techniques. P.-B. Joly [INRA, Ivry]

12 h 30 à 14 h, déjeuner  
14 h à 16 h,

### Thématique 4

#### De l'information aux systèmes d'information

(animateurs : B. Courtois et J.-L. Pham)

- Mutualiser la propriété intellectuelle et les recherches peut-il nous conduire à une organisation de la recherche économiquement et socialement efficace ? M. Trommetter [INRA, Grenoble]
- La gestion des informations relatives aux races à petits effectifs par les systèmes nationaux d'information génétique (SNIG) :

contribution et problèmes rencontrés. C. Dos, C. Danchin-Burge [Institut de l'Elevage]

- Une information hors normes : les savoirs traditionnels. A. Luxereau, B. Roussel [MNHN]

• SIREGAL, un système d'information multi-espèces sur les ressources génétiques végétales françaises. C. Pommier [CRG, Evry]

- De la collecte de données à l'information pour les décideurs : la production d'indicateurs de biodiversité. D. Richard [MNHN] et E. Charvolin [FFRB]

16 h à 16 h 30, clôture du colloque.

